



Fiche Oncologie

Autres tumeurs

- ▶ Mélanome
- ▶ Tumeurs des tissus mous et Sarcomes
- ▶ Tumeurs du Système Nerveux Central (SNC)
- ▶ Tumeurs urologiques
- ▶ Neuroblastome
- ▶ Lymphomes

Mélanome

Le mélanome cutané représente la 6^{ème} cause de cancer chez la femme et la 8^{ème} chez l'homme. Son potentiel métastatique impacte directement la survie des patients et il est donc nécessaire de disposer d'un arsenal thérapeutique efficace. Le traitement par thérapie ciblée anti BRAF a révolutionné la prise en charge des mélanomes métastatiques BRAF V600 mutés. Une nouvelle thérapeutique à base d'immunothérapie semble apporter également de vrais bénéfices pour la prise en charge de ces patients, en association ou pas avec une thérapie ciblée.

Panel NGS MELA	BRAF – NRAS – CKIT
Panel Pan-Organe	AKT1 - ALK - BRAF - CTNNB1 - DDR2 - EGFR - HER2 - HER4 - FBXW7 - FGFR1 - FGFR2 - FGFR3 - KIT - KRAS - MAP2K1- MET - NOTCH1 - NRAS - PDGFRA - PIK3CA - PTEN - SMAD4 - STK11 - TP53

Panel NGS « MELA »

BRAF Les mutations BRAF sont fréquentes dans les mélanomes et environ 50% des patients avec un mélanome métastatique présentent une mutation BRAF V600. Pour ces patients, la combinaison d'un inhibiteur de BRAF et d'un inhibiteur de MEK révolutionne leur prise en charge thérapeutique. D'autres mutations BRAF sont également décrites et méritent d'être recherchées à visée théranostique.

NRAS Les mutations NRAS sont décrites dans les formes nodulaires (de pronostic péjoratif) et muqueuses. Les mutations de l'exon 3 seraient associées à un pronostic péjoratif. L'immunothérapie reste à ce jour le traitement de 1er choix en présence d'une mutation NRAS (avec un BRAF sauvage) et ce avant les inhibiteurs de MEK.

KIT Les mutations KIT sont essentiellement identifiées dans les mélanomes acrolentigineux. A l'opposé des GIST, il n'existe pas encore de thérapie ciblée avec une AMM mais des essais sont en cours avec des ITK.

Les mutations NRAS et KIT ne sont pas encore des mutations actionnables mais leur recherche est recommandée en essais cliniques dans le cadre des mélanomes BRAF sauvage.

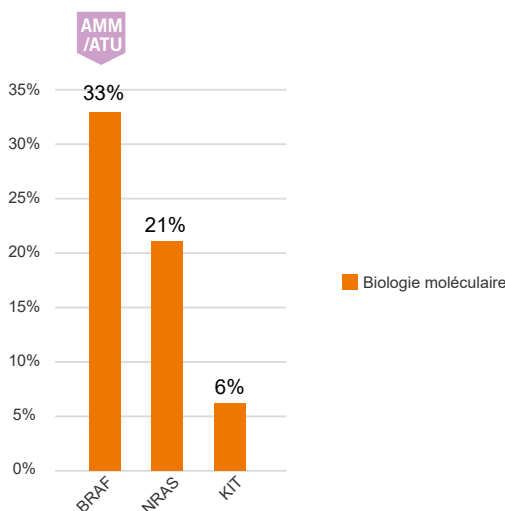
Des réarrangements géniques (ALK, ROS1, NTRK) ont été rapportés dans les mélanomes spitzoïdes. Leur identification est d'intérêt mineur compte tenu d'un pronostic favorable de ces tumeurs et d'un potentiel métastatique faible.

Le panel NGS pan-organe peut s'avérer utile en recherche clinique.

Remarque : nous ne proposons pas la recherche de mutations NF1, GNA11 et GNAQ

NB : le résultat de l'IHC PDL1 permet de proposer une immunothérapie, en particulier pour les cas BRAF sauvage. L'analyse TMB viendra compléter cette offre dans un futur proche.

Fréquence des anomalies moléculaires dans le mélanome et thérapie(s) ciblée(s) disponible(s) (AMM/ATU)



Pour le mélanome uvéal, la monosomie 3 est associée à un pronostic péjoratif et un potentiel métastatique.

FISH ciblée unitaire (mélanome uvéal)

statut du chromosome 3

Tumeurs osseuses et des tissus mous

Plus de 50 % des sarcomes présentent des anomalies moléculaires. Il s'agit essentiellement de translocations chromosomiques (ex : réarrangements d'EWSR, SS18, FOXO1A ...) ou d'amplifications géniques (ex : MDM2). Ce sont des marqueurs diagnostiques forts mais ils peuvent apporter également une valeur pronostique. Ils viennent donc compléter les critères morphologiques et immunohistochimiques établis par l'anatomopathologiste. Nous proposons au laboratoire une approche par technique FISH ciblée.

Cibles FISH unitaires - Sarcome

EWSR1 - MDM2 - DDIT3 (CHOP) - SS18 (SYT) - ALK - FOXO1A (FKHR) - ETV6 - NTRK3

Les réarrangements les plus fréquents dans les sarcomes sont :

Tumeurs	Anomalies moléculaires analysées par FISH	Réarrangements chromosomiques	Gènes de fusion
Synoviosarcome	Réarrangement de SS18 (SYT)	t(X;18)(p11;q11)	SS18(SYT)-SSX1 SS18(SYT)-SSX2 SS18(SYT)-SSX4
Rhabdomyosarcome alvéolaire	Réarrangement de FOXO1A (FKHR)	t(2;13)(q35;q14) t(1;13)(p36;q14) et variantes	PAX3-FOXO1A(FKHR) PAX7-FOXO1A(FKHR)
Liposarcome myxoïde	Réarrangement de DDIT3 (CHOP)	t(12;16)(q13;p11) t(12;22)(q13;q12)	TLS(FUS)-DDIT3(CHOP) EWSR1-DDIT3(CHOP)
Liposarcome différencié / dédifférencié	Amplification de MDM2		
Sarcome d'Ewing	Réarrangement de EWSR1	t(11;22)(q24;q12) t(21;22)(q22;q12) et variantes	EWSR1-FLI1 EWSR1-ERG
Sarcome à cellules claires		t(12;22)(q13;q12) t(2;22)(q32;q12)	ATF1-EWSR1 EWSR1-CREB1
Tumeur desmoplastique à petites cellules rondes		t(11;22)(p13;q12)	WT1-EWSR1
Chondrosarcome myxoïde extrasquelettique		t(9;22)(q22;q12)	EWSR1-TEC
Histiocytome fibreux angiomatoïde		t(2;22)(q34;q12) t(12;22)(q13;q12)	EWSR1-CREB1 EWSR1-ATF1
Tumeur myofibroblastique inflammatoire		Réarrangement de ALK	Réarrangements en 2p23
Fibrosarcome infantile	Réarrangement de ETV6 ou de NTRK3	t(12;15)(p13;q25)	ETV6-NTRK3

Remarque : pour les GIST, merci de consulter la Fiche Oncologie – Digestif (DS84).

Tumeurs du système nerveux central : gliome et médulloblastome

Gliome

La classification OMS 2016 a apporté la notion de « diagnostic intégré » pour les gliomes en associant des données cliniques, histologiques et moléculaires. Des groupes diagnostiques homogènes en termes de pronostic et de valeur prédictive à un traitement ont ainsi pu être définis. 3 techniques sont utilisées pour établir ce diagnostic intégré :

- ▶ IHC : expression IDH (IDH1-R132H), ATRX, H3K27M
- ▶ FISH : codélétion 1p/19, amplification EGFR, perte 7p, gain 10q
- ▶ Biologie moléculaire : mutation IDH1-IDH2, mutation Histone H3, mutation du promoteur de TERT

Le statut IDH par IHC est l'élément fondateur de la classification OMS des gliomes : tumeurs IDH muté versus tumeurs IDH sauvage. Les mutations IDH1 représentent environ 95% des cas et parmi ces mutations IDH1, la mutation R132H représente plus de 90% des cas. Le séquençage d'IDH doit être réalisé en cas de négativité de l'IHC IDH1-R132H. Le statut IDH muté est associé à un pronostic favorable dans les gliomes de grade II, III et IV.

Cible FISH unitaire	statut 1p/19q – p16 - EGFR
Méthylation MGMT	

Cible FISH unitaire :

1p 19q La codélétion 1p/19q correspond à la perte complète du 1p et du 19q par un mécanisme de translocation déséquilibrée $t(1;19)(q10;p10)$.

Elle présente :

- **Un rôle diagnostique** (avec la présence d'une mutation IDH) : sa présence permet d'affirmer le diagnostic d'oligodendrogliome. Deux entités OMS sont décrites : « Oligodendrogliome IDH muté / 1p19q codéléte » et « Oligodendrogliome anaplasique IDH muté / 1p19q codéléte » mais son absence ne permet pas d'éliminer le diagnostic d'oligodendrogliome (NOS).
- **Un rôle pronostique** : elle est associée à un facteur de bon pronostic dans les gliomes de grade II. A l'inverse, la perte isolée 1p est associée à un pronostic défavorable.
- **Un rôle thérapeutique** : les patients présentant un gliome de grade III peuvent bénéficier d'un traitement par PCV et radiothérapie. Elle est donc associée à une chimiosensibilité.

p16 La recherche de délétion p16 (homozygote ou hétérozygote) en 9p21 par technique FISH représente une aide diagnostique. Elle plaide en faveur d'un gliome de haut grade (grade III) versus un grade II.

EGFR Dans le cadre d'une tumeur avec une histologie d'astrocytome, la recherche d'une amplification EGFR peut aider au diagnostic de l'entité OMS « Glioblastome – IDH non muté ». Le gain 7p ou la perte 10q peuvent également être observés dans ce cadre.

Méthylation MGMT

Le statut méthylé ou non de MGMT ne présente pas un intérêt diagnostique selon l'OMS 2016. La protéine MGMT intervient dans le système de réparation de l'ADN. La méthylation de MGMT est un marqueur prédictif de réponse aux agents alkylants et un marqueur pronostique favorable indépendant dans les glioblastomes.

Remarque : en biologie moléculaire, nous ne proposons au laboratoire que la recherche de méthylation MGMT dans le cadre des gliomes.

Médulloblastome

Cible FISH unitaire

C-MYC et N-MYC

L'amplification de C-MYC ou de N-MYC est associée à un facteur pronostique péjoratif.

Tumeurs urologiques : vessie et prostate

Cancer de la vessie

Le cancer de la vessie est le sixième cancer le plus fréquent en France et touche majoritairement les hommes. Il représente le second cancer urologique après celui de la prostate. Les traitements disponibles sont la chirurgie, la chimiothérapie, l'immunothérapie et la radiothérapie.

Cible FISH unitaire

chromosomes 3, 7, 9 (p16) et 17

Test MSI

FISH ciblée unitaire : statut des chromosomes 3, 7, 9 (p16) et 17

Le principe de cette technique FISH est de détecter une aneuploïdie des chromosomes 3, 7, 9 et 17 et une délétion du locus p16 en 9p21 dans des échantillons d'urine. Ces anomalies sont rapportées dans les cellules cancéreuses des tumeurs de vessie. La sensibilité de cette technique est proche de 80% et elle est d'autant plus robuste que le stade et le grade sont élevés. Pour les tumeurs vésicales de bas grade, la FISH est plus sensible que l'étude cytologique urinaire. La surveillance des tumeurs vésicales par la technique FISH pourrait améliorer la précocité du diagnostic des récives. Des résultats négatifs pourraient permettre d'espacer les cystoscopies et donc de réduire le nombre de gestes invasifs. De nouveaux marqueurs moléculaires pronostiques (ex : test BCA-1 par CGH-Array) pourraient se positionner dans la prise en charge et le suivi des tumeurs de vessie.

Test MSI

(cf Fiche Oncologie – Digestif – réf. DS84)

Les indications du test MSI dans les tumeurs de la vessie sont :

- ▶ La stratification THERANOSTIQUE par IMMUNOTHERAPIE (axe PD1/PDL1) dans les formes avancées ou métastatiques avec un test MSI+
- ▶ Le pré-criblage du syndrome de Lynch.

Cancer de la prostate

Le cancer de la prostate est chez l'homme la première cause de cancer et la troisième cause de décès. Le traitement de première intention pour les cancers métastatiques est une hormonothérapie. En cas de résistance, une chimiothérapie peut être proposée. Les inhibiteurs de PARP semblent être une nouvelle alternative thérapeutique. L'immunothérapie est au stade d'essai.

Test PCA3

Mutations BRCA1 et BRCA2 somatiques

Test MSI

Test PCA3

L'expression de PCA3 est limitée à la prostate et il existe une surexpression de PCA3 dans les cellules cancéreuses prostatiques. Le test PCA3 est un test d'aide au diagnostic du cancer de la prostate chez des patients avec une série de biopsies prostatiques négatives mais un dosage de PSA élevé. Il peut également avoir une valeur pronostique pour ces patients. Il permet donc d'aider le clinicien dans sa décision à renouveler ou pas la réalisation d'une biopsie prostatique. Son interprétation est basée sur un rapport ARNm PCA3 /ARNm PSA avec un seuil de positivité à 35. Un score PCA3/PSA > 35 signe une probabilité élevée d'avoir un cancer sur des biopsies ultérieures.

Mutations BRCA1 et BRCA2 somatiques

(cf Fiche Oncologie – Gynécologie – réf. DS85)

Les mutations BRCA1 ou BRCA2 (plus fréquemment) sont rapportées dans environ 5% des cancers de la prostate. Les inhibiteurs de PARP vont représenter une nouvelle classe de thérapie ciblée pour les cancers de prostate métastatiques ne répondant plus à l'hormonothérapie.

NB : Comme pour le cancer du sein et de l'ovaire, la consultation d'oncogénétique est un élément capital pour la prise en charge individuelle et familiale. En France, différents parcours en génétique oncologique en vue d'une prescription d'un inhibiteur de PARP conditionnée par la présence d'une mutation germinale ou somatique ont été proposés par l'INCa.

Test MSI

(cf Fiche Oncologie – Digestif – réf. DS84)

Les indications du test MSI dans le cancer de la prostate sont :

- ▶ La stratification THERANOSTIQUE par IMMUNOTHERAPIE (axe PD1/PDL1) dans les formes avancées ou métastatiques avec un test MSI+
- ▶ Le pré-criblage du syndrome de Lynch.

Neuroblastome

Le neuroblastome représente la tumeur maligne solide extra-cérébrale la plus fréquente du jeune enfant. Elle se caractérise par une grande variabilité clinique (régression spontanée ou évolution fatale). Le traitement est adapté en fonction de l'âge de l'enfant, du stade de la tumeur, de la possibilité d'une chirurgie et du statut amplifié ou non de l'oncogène N-MYC.

Cibles FISH unitaires : N-MYC

L'amplification de N-MYC est associée à un facteur pronostique péjoratif.

Lymphome

Eurofins Biomnis propose une liste exhaustive d'analyses de cytogénétique (caryotype et FISH) et de biologie moléculaire une prise en charge optimale des patients atteints de lymphome.

Caryotype Hématologique (culture stimulée DSP30-IL2)	
FISH hématologique	LLC (TP53-ATM-13q-CEP12) - IGH-CCND1 - IGH-BCL2 - CMYC - BCL6 - IGHDC
Clonalité B	
Réarrangement IG-VH	
Mutation MYD88 / CXCR4	
Clonalité T	
Mutations TP53	
Mutation BRAF	

Retrouvez l'ensemble de nos tests sur notre bon de demande d'analyse « Hémopathies malignes » (Réf. B8) ainsi que sur nos supports d'information sur www.eurofins-biomnis.com
> Rubrique Spécialités > Oncologie solide et hémopathies malignes.

L'utilisation en routine de la technique NGS en oncologie fait émerger des classifications moléculaires à visée diagnostique, pronostique ou thérapeutique.

Dans cette perspective, nous proposons au laboratoire :

1. Un panel NGS Pan-organe

Gene	NM_	EXONS	PAN ORGANE
AKT1	NM_005163.2	3	●
ALK	NM_004304.4	21,22,23,25	●
BRAF	NM_004333.5	11,15	●
CTNNB1	NM_001904	3	●
DDR2	NM_006182	5,8,12-15, 17	●
EGFR	NM_005228	12,18-21	●
ERBB2	NM_004448.3	19-21	●
ERBB4	NM_005235	3,4,6-9, 15, 23	●
FBXW7	NM_033632.3	5,8-11	●
FGFR1	NM_023110	3,4	●
FGFR2	NM_000141	7,9,12	●
FGFR3	NM_000142	7,9,14,16,18	●
KIT	NM_000222	8,9,11,13,17	●
KRAS	NM_004985	2,3,4	●
MAP2K1	NM_002755	2	●
MET	NM_001127500	2,14,16,19	●
NOTCH1	NM_017617	26	●
NRAS	NM_002524	2,3,4	●
PDGFRA	NM_006206	12,14,18	●
PIK3CA	NM_006218	2,8,10,14,21	●
PTEN	NM_000314.6	1,3,6-8	●
SMAD4	NM_005359	3,5,6,8,9-12	●
STK11	NM_000455	1,4,6,8	●
TP53	NM_000546	2,4-10	●

2. L'évaluation de la charge tumorale mutationnelle (TMB) comme test prédictif d'une réponse à l'immunothérapie est également disponible au laboratoire.

Les recommandations ESMO 2020 préconisent la réalisation du test TMB en 1^{ère} intention dans les tumeurs suivantes : cancer du col, tumeurs neuroendocrines, tumeurs salivaires, cancer de la vulve et cancer de la thyroïde.

Ces 2 tests peuvent être utiles en RCP.

En conclusion, l'approche en biologie moléculaire et en FISH des tumeurs solides est en constante évolution. Ce document fait un état des lieux des connaissances en 2020.

NB : En marge des analyses FISH et moléculaires, Eurofins Biomnis propose également la réalisation d'autres paramètres de biologie spécialisée :

- Dosages radioimmunologiques tels que hCG molécule dimère (Alpha + Bêta) et hCG - chaîne bêta libre - sous unité (testicules) et Chromogranine A (neuroblastome),
- Marqueurs tumoraux tels que [-2]pro-PSA et calcul du phi, PSA total et PSA libre (prostate).

Avant tout prélèvement, consultez les informations indispensables relatives à chaque test (pré-analytique, cotation, délai, document requis*, ...) sur www.eurofins-biomnis.com
> rubrique Référentiel des examens > **Code Analyse**

Codes Analyse

- Panel NGS MELANOME : **MELA**
- FISH ONCOLOGIQUE : **MOHC4**
- Méthylation MGMT : **MGMT**
- PCA3 : **PCA3**
- Test MSI : **MICSA**
- BRCA 1/2 somatiques : **BRCAS**
- Panel NGS PAN - Organe : **PAN**
- Test TMB : **TMB**

*Documents requis

- Bon de demande d'analyse "Biologie des tumeurs solides" (Réf. B9)
- Compte-rendu anatomopathologique
- Etude des lymphomes : bon de demande d'analyse "Biologie des hémopathies malignes" (Réf. B8)

Délai (FISH et NGS) : 10 jours (une semaine supplémentaire si vérification nécessaire par Sanger)

Contact

Division Internationale
international@eurofins-biomnis.com
Tél. : +33 (0)4 72 80 23 85

Références bibliographiques

WHO Classification of Skin tumours (4th ed) - IARC Lyon 2018

Cutaneous melanoma: ESMO Clinical Practice Guidelines for diagnosis, treatment and follow-up. Michielin O et al. Ann Oncol. 2019 Dec 1;30(12):1884-1901. PMID: 31566661

WHO Classification of Soft Tissue and Bone Tumours (5th ed) – IARC Lyon 2019

WHO Classification of Central Nervous System Tumours - IARC Lyon 2016

WHO Classification of Tumours of the Urinary System and Male Genital Organ – IARC Lyon 2016

WHO Classification of Tumours of Haematopoietic and Lymphoid Tissues – IARC Lyon 2017

Recommendations for the use of next-generation sequencing (NGS) for patients with metastatic cancers: a report from the ESMO Precision Medicine Working Group. F Mosele et al. Ann Oncol 2020 Aug 24;S0923-7534(20)39971-3. PMID: 32853681

Sites web <https://www.mycancergenome.org/>

<https://www.e-cancer.fr/>

<https://www.cancer.gov/>

Abréviations

ITK Inhibiteur de Tyrosine Kinase

RCP Réunion de Concertation Pluridisciplinaire

TMB Tumor Mass Burden (charge mutationnelle tumorale)