

### I. CONTEXTE DE LA DEMANDE

**Confirmation chez le cas index d'une variation détectée sur une analyse précédente**

**CAS INDEX : MERCI de remplir également le bon de demande d'analyses référence B12**

Nom : ..... Prénom(s) : .....

Nom de naissance : .....

Date de naissance :

Sexe :  F  M

Analyse initialement réalisée chez le cas index :

Exome ou panel  ACPA  Autre, *précisez* : .....

*Joindre une copie du CR de résultats ou détailler la nomenclature de la variation (dans la zone prévue de ce document ci-après) ou notifier le numéro de dossier Eurofins Biomnis si disponible (rendre OBLIGATOIREMENT un de ces trois éléments) N° de dossier :*

## OU

**Enquête familiale** (dans ce cas, merci de remplir également les informations sur le cas index ci-dessus)

**APPARENTÉ(S) PRÉLEVÉ(S) : MERCI de remplir le bon de demande d'analyses référence B12 pour chaque apparenté prélevé (ou bon de demande référence B3 en cas de prénatal)**

#### APPARENTÉ 1

Nom : ..... Prénom(s) : .....

Nom de naissance : .....

Date de naissance :

Sexe :  F  M

Asymptomatique  Symptomatique

Précisez la clinique : .....

Lien de parenté avec le cas index : .....

#### APPARENTÉ 2

Nom : ..... Prénom(s) : .....

Nom de naissance : .....

Date de naissance :

Sexe :  F  M

Asymptomatique  Symptomatique

Précisez la clinique : .....

Lien de parenté avec le cas index : .....

#### APPARENTÉ 3

Nom : ..... Prénom(s) : .....

Nom de naissance : .....

Date de naissance :

Sexe :  F  M

Asymptomatique  Symptomatique

Précisez la clinique : .....

Lien de parenté avec le cas index : .....

**ARBRE GÉNÉALOGIQUE**

## II. ANALYSE(S) DEMANDÉE(S)

Pour chaque variation à rechercher, précisez le type d'analyse (séquençage ciblé Sanger ou qPCR ou autre), le nom du gène et la variation en nomenclature HGVS ou ISCN

**VARIATION 1**

Type d'analyse :  Séquençage ciblé par Sanger     qPCR     Autre, *précisez* : .....

Nom du gène : .....

Variant (nomenclature HGVS ou ISCN) : .....

**VARIATION 2**

Type d'analyse :  Séquençage ciblé par Sanger     qPCR     Autre, *précisez* : .....

Nom du gène : .....

Variant (nomenclature HGVS ou ISCN) : .....

**VARIATION 3**

Type d'analyse :  Séquençage ciblé par Sanger     qPCR     Autre, *précisez* : .....

Nom du gène : .....

Variant (nomenclature HGVS ou ISCN) : .....

**VARIATION 4**

Type d'analyse :  Séquençage ciblé par Sanger     qPCR     Autre, *précisez* : .....

Nom du gène : .....

Variant (nomenclature HGVS ou ISCN) : .....